



НИИ гриппа
им. А.А. Смородинцева

ЕЖЕНЕДЕЛЬНЫЙ НАЦИОНАЛЬНЫЙ БЮЛЛЕТЕНЬ ПО ГРИППУ И ОРВИ

за 36 неделю 2026 года. (31.08.26 - 06.09.26)

Ситуация в России

Резюме

На 36 неделе 2026 г. уровень заболеваемости населения гриппом и другими ОРВИ повысился, по сравнению с предыдущей неделей, и, составив 31,2 на 10 000 населения, был ниже базовой линии (89,9) на 62,4% и ниже еженедельного эпидемического порога на 26,4%.

На 36 неделе 2026 г. эпидемические пороги суммарной заболеваемости гриппом и ОРВИ по всему населению не были превышены на 20% и более ни в одном из 61 города, приславшего данные.

Лабораторными методами на 36 неделе 2026 года при исследовании материалов от 4855 больных гриппом в 43 городах зарегистрирован 1 (0,02%) случай гриппа A(H1N1)pdm09 в 1 городе.

На 36 неделе на клеточной культуре MDCK вирусов гриппа не выделено. Всего с начала сезона 2025-2026 в опорных базах и НЦГ было изолировано 1053 вируса гриппа, в том числе 100 A(H1N1)pdm09, 938 A(H3N2) и 15 В.

Антигенная характеристика. В НЦГ Москвы (ЦЭЭГ) и Санкт-Петербурга (НИИ гриппа) антигенно охарактеризовано 649 вирусов гриппа, в том числе: 91 вирус гриппа A(H1N1)pdm09, 548 вирусов гриппа A(H3N2) и 10 вирусов гриппа типа В. 44 вируса A(H1N1)pdm09 были родственны референс штамму A/Victoria/4897/22, рекомендованному в состав вакцин для стран Северного полушария на сезон 2025-2026 гг., 47 штаммов были его дрейф-вариантом. 10 вирусов A(H3N2) были родственны референс штамму A/Croatia/10136RV/23, также рекомендованному в состав вакцин для стран Северного полушария на сезон 2025-2026 гг., 526 вирусов A(H3N2) были его дрейф-вариантом, 11 штаммов были подобны референс штамму A/Thailand/8/2022, 1 штамм был его дрейф-вариантом. 5 вирусов типа В были подобны вакцинному штамму B/Austria/1359417/2021, 5 штаммов были его дрейф-вариантом.

Генетическая характеристика. В Национальном Центре по гриппу (Санкт-Петербург) проведено секвенирование 2672 вирусов гриппа, изолированных в эпидсезон 2025-2026 гг. 2327 вирусов гриппа A(H3N2) были подобны вакцинному штамму A/Croatia/10136RV/2023 и принадлежали кластеру 3C.2a1b.2a.2a.3a.1, из них 2192 были отнесены к субкластеру К, 33 вируса - к субкластеру J.2, 98 вирусов - к субкластеру J.2.2, 4 вируса - к субкластеру J.2.4. 328 вирусов A(H1N1)pdm09 были подобны вакцинному штамму A/Victoria/4897/2022 и отнесены к кластеру 6B.1A.5a.2a.1., из них 30 вирусов относились к субкластеру D.3.1, 297 вирусов - к субкластеру D.3.1.1. Один штамм A(H1N1)pdm09 был родственен референс штамму A/Sydney/5/2021 и отнесен к кластеру 6B.1A.5a.2a., субкластеру C.1.9.3. 17 вирусов гриппа типа В были подобны вакцинному штамму B/Austria/1359417/2021 и отнесены к кластеру V1A.3a.2. из них 15 были отнесены к субкластеру C.5.6, 2 вируса - к субкластеру C.5.6.1.

Чувствительность к химиопрепаратам. В Национальных Центрах по гриппу (Москва, Санкт-Петербург) с начала сезона 2025-2026 годов проведено изучение чувствительности 437 вирусов гриппа к ингибиторам нейраминидазы (озельтамивир, занамивир), в том числе 25 штаммов A(H1N1)pdm09, 411 вирусов A(H3N2) и 1 вирус гриппа В.

COVID-19. Согласно поступившей информации в базу данных НИИ гриппа на 36 неделе, в системе надзора за гриппом и ОРВИ, по результатам ПЦР анализа клинических материалов от 6514 больных в 39 городах, коронавирус SARS-CoV-2 был выявлен в 35 (0,5%) случаях.

ОРВИ. Частота диагностирования ОРВИ негриппозной этиологии (парагрипп, аденовирусная, респираторно-синцициальная, коронавирусная, бокавирусная, метапневмовирусная и риновирусная инфекция) составила по результатам ПЦР 15,8%, по результатам ИФА (парагрипп, аденовирусная и респираторно-синцициальная инфекция) 11,5%.

В системе Сигнального надзора на прошедшей неделе на грипп обследовано 26 больных ТОРИ в 2 городах (Калининград, Чита), случаев гриппа не выявлено.

На новую коронавирусную инфекцию обследовано 25 больных ТОРИ в Чите, случаев коронавирусной инфекции, вызванной вирусом SARS-CoV-2, не выявлено.

На вирусы ОРВИ обследовано 25 больных ТОРИ, случаев ОРВИ не зарегистрировано.

При обследовании 8 амбулаторных больных ГПЗ/ОРИ, случаев гриппа не выявлено. На вирусы ОРВИ обследовано 13 больных ГПЗ/ОРИ, случаев ОРВИ не выявлено. На новую коронавирусную инфекцию обследовано 13 больных ГПЗ/ОРИ, случаев коронавирусной инфекции, вызванной вирусом SARS-CoV-2, не выявлено.

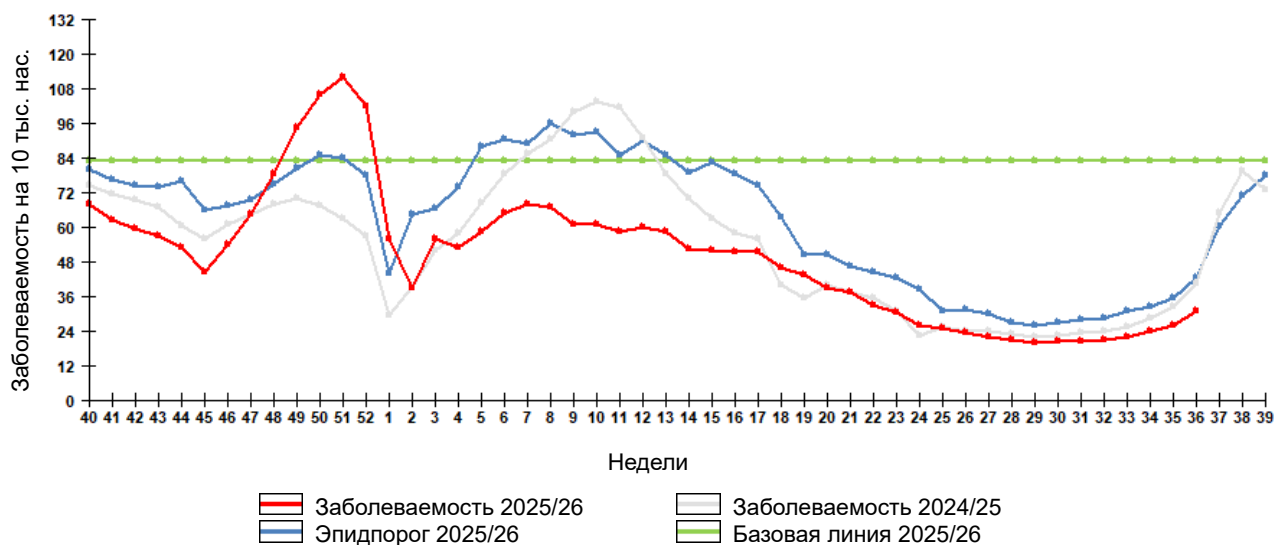
Заключение. Ситуация по гриппу и другим ОРВИ в стране благополучная. На 36 неделе зарегистрирована низкая активность вирусов гриппа и вируса SARS-CoV-2 и умеренная активность других ОРВИ.

Убедительно просим расширить работу по ПЦР-детекции вирусов гриппа в клинических материалах.

По всем возникающим вопросам просим обращаться в Референс-центр по гриппу при ФГБУ "НИИ гриппа им. А.А.Смородинцева" Минздрава России по электронной почте: daria.danilenko@influenza.spb.ru, nadezda.konovalova@influenza.spb.ru

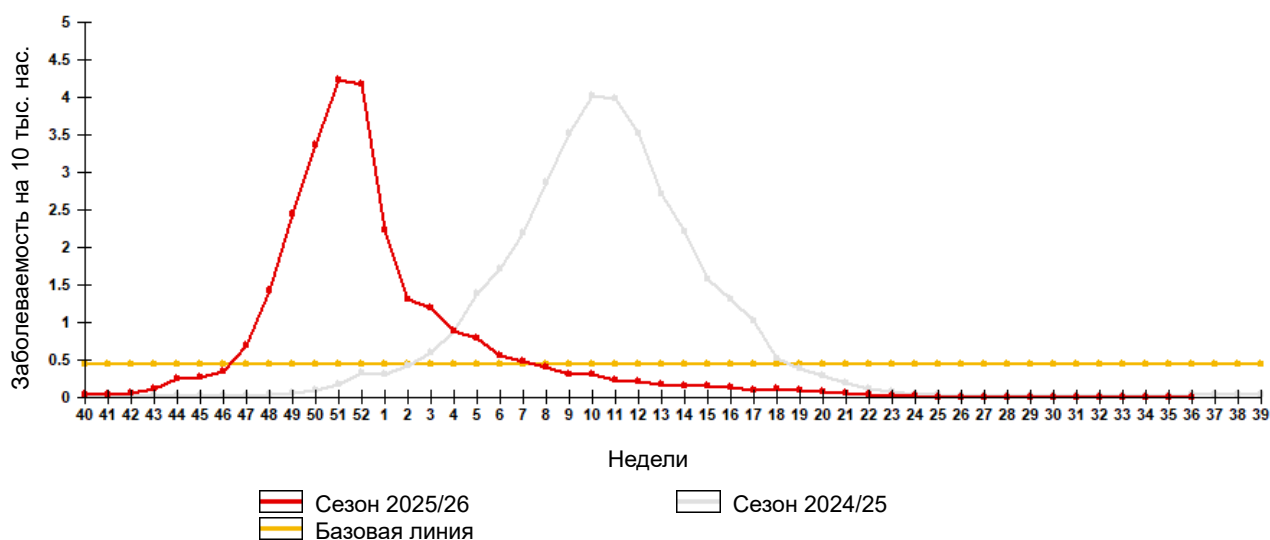
Эпидемиологические данные

Рис. 1. Сравнительные данные по заболеваемости гриппом и ОРВИ в городах России в сезоны 2024/25 и 2025/26 гг.



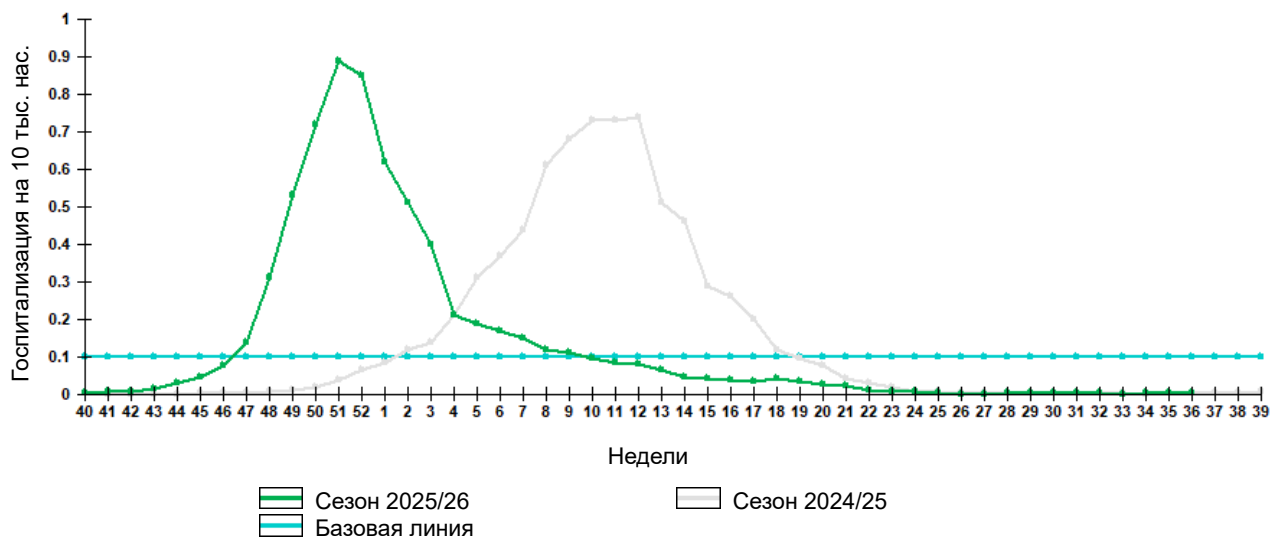
На 36 неделе 2026 г. уровень заболеваемости населения гриппом и другими ОРВИ повысился, по сравнению с предыдущей неделей, и, составив 31,2 на 10 000 населения, был ниже базовой линии (89,9) на 62,4% и ниже еженедельного эпидемического порога на 26,4%.

Рис. 2. Сравнение заболеваемости «гриппом» по данным клинической диагностики в сезоны 2024/25 и 2025/26 гг.



На 36 неделе 2026 г. частота клинически диагностированного гриппа повысилась, по сравнению с предыдущей неделей, составила 0,0091 на 10 000 населения, и была ниже предэпидемической базовой линии (0,45).

Рис. 3. Показатель госпитализации больных с клиническим диагнозом «грипп» в сезоны 2024/25 и 2025/26 гг.



На 36 неделе 2026 г. частота госпитализации с диагнозом "грипп" повысилась, по сравнению с предыдущей неделей, и, составив 0,0022 на 10 000 населения, была ниже предэпидемической базовой линии (0,099).

Результаты лабораторной диагностики

Лабораторными методами (ПЦР) на 36 неделе 2026 года при исследовании материалов от 4855 больных гриппом в 43 городах зарегистрирован 1 (0,02%) случай гриппа A(H1N1)pdm09 в 1 городе.

На 36 неделе на клеточной культуре MDCK вирусов гриппа не выделено. Всего с начала сезона 2025-2026 в опорных базах и НЦГ было изолировано 1053 вируса гриппа, в том числе 100 A(H1N1)pdm09, 938 A(H3N2) и 15 В.

Антигенная характеристика. В НЦГ Москвы (ЦЭЭГ) и Санкт-Петербурга (НИИ гриппа) антигенно охарактеризовано 649 вирусов гриппа, в том числе: 91 вирус гриппа A(H1N1)pdm09, 548 вирусов гриппа A(H3N2) и 10 вирусов гриппа типа В. 44 вируса A(H1N1)pdm09 были родственны референс штамму A/Victoria/4897/22, рекомендованному в состав вакцин для стран Северного полушария на сезон 2025-2026 гг., 47 штаммов были его дрейф-вариантом. 10 вирусов A(H3N2) были родственны референс штамму A/Croatia/10136RV/23, также рекомендованному в состав вакцин для стран Северного полушария на сезон 2025-2026 гг., 526 вирусов A(H3N2) были его дрейф-вариантом, 11 штаммов были подобны референс штамму A/Thailand/8/2022, 1 штамм был его дрейф-вариантом. 5 вирусов типа В были подобны вакцинному штамму B/Austria/1359417/2021, 5 штаммов были его дрейф-вариантом.

Генетическая характеристика. В Национальном Центре по гриппу (Санкт-Петербург) проведено секвенирование 2672 вирусов гриппа, изолированных в эпидсезон 2025-2026 гг. 2327 вирусов гриппа A(H3N2), были подобны вакцинному штамму A/Croatia/10136RV/2023 и принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1, из них 2192 были отнесены к субклайду К, 33 вируса - к субклайду J.2, 98 вирусов - к субклайду J.2.2, 4 вируса - к субклайду J.2.4. 328 вирусов A(H1N1)pdm09 были подобны вакцинному штамму A/Victoria/4897/2022 и отнесены к клайду 6B.1A.5a.2a.1., из них 30 вирусов относились к субклайду D.3.1, 297 вирусов - к субклайду D.3.1.1. Один штамм A(H1N1)pdm09 был родственен референс штамму A/Sydney/5/2021 и отнесен к клайду 6B.1A.5a.2a., субклайд C.1.9.3. 17 вирусов гриппа типа В были подобны вакцинному штамму B/Austria/1359417/2021 и отнесены к клайду V1A.3a.2. из них 15 были отнесены к субклайду C.5.6, 2 вируса - к субклайду C.5.6.1.

Чувствительность к химиопрепаратам. В Национальных Центрах по гриппу (Москва, Санкт-Петербург) с начала сезона 2025-2026 годов проведено изучение чувствительности 437 вирусов гриппа к ингибиторам нейраминидазы (озельтамивир, занамивир), в том числе 25 штаммов A(H1N1)pdm09, 411 вирусов A(H3N2) и 1 вирус гриппа В. Все изученные вирусы были чувствительны к нейраминидазным ингибиторам.

Рис. 4. Результаты лабораторной диагностики гриппа в базовых лабораториях двух НЦГ ВОЗ в РФ

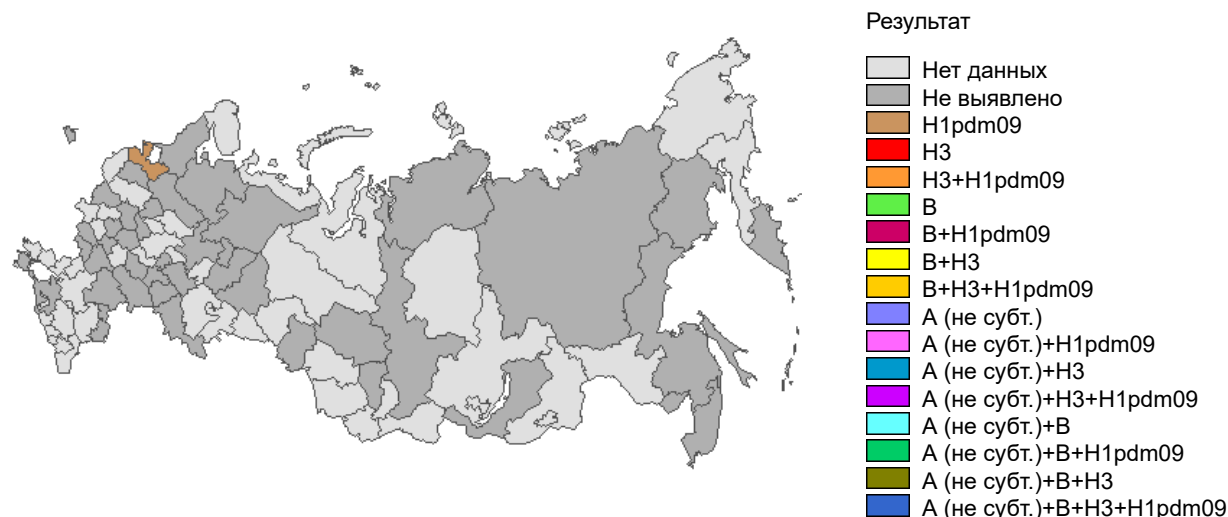


Рис. 5. Мониторинг гриппа по результатам ПЦР диагностики в базовых лабораториях двух Национальных центров по гриппу ВОЗ в РФ, сезон 2025/26гг.

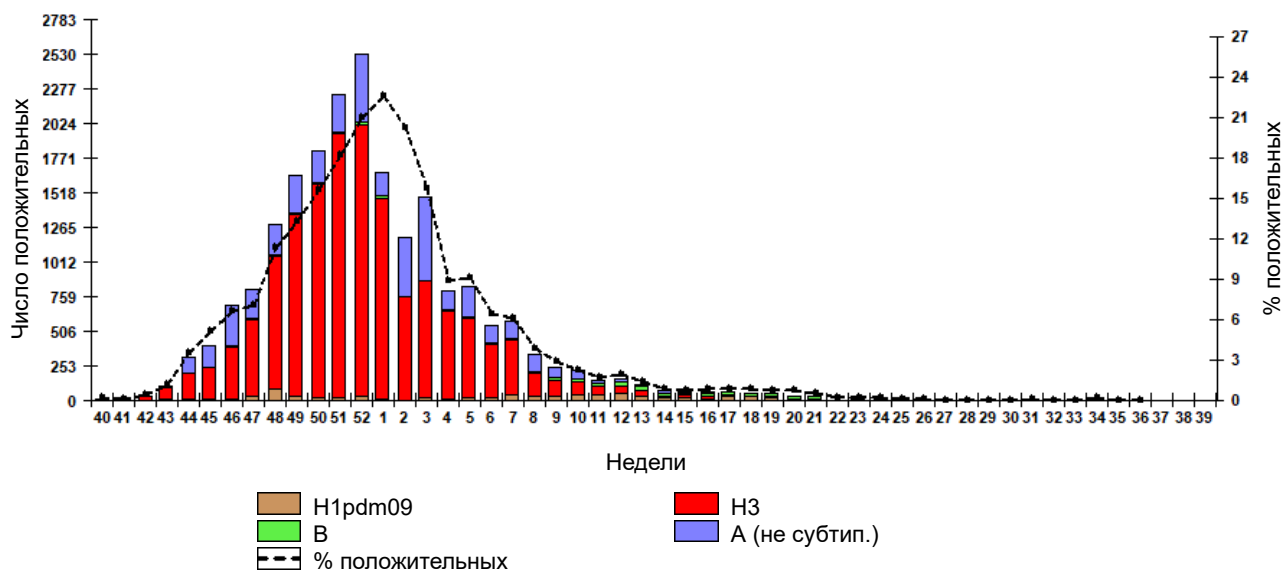
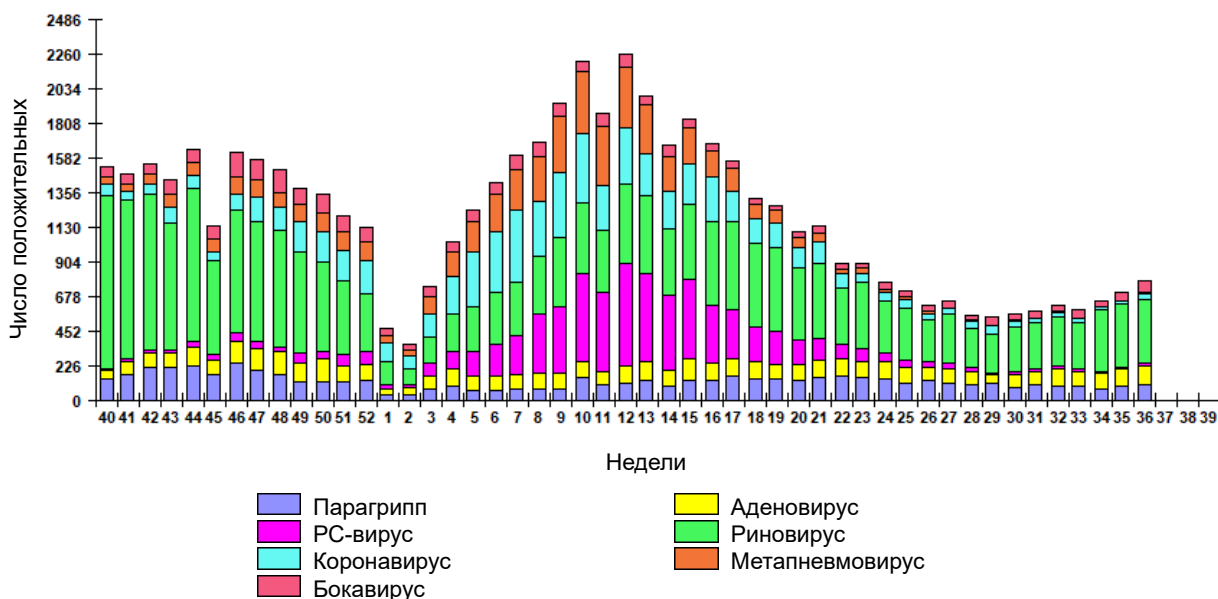


Рис. 6. Мониторинг ОРВИ негриппозной этиологии по результатам ПЦР диагностики в базовых лабораториях двух Национальных центров по гриппу ВОЗ в РФ, сезон 2025/26гг.



ОРВИ. Частота диагностирования ОРВИ негриппозной этиологии (парагрипп, аденовирусная, респираторно-синцитиальная, коронавирусная, бокавирусная, метапневмовирусная и риновирусная инфекция) составила по результатам ПЦР **15,8%**, по

результатам ИФА (парагрипп, аденовирусная и респираторно-синцициальная инфекция) **11,5%**

Рис. 7. Мониторинг гриппа по результатам выделения вирусов гриппа в базовых лабораториях двух Национальных центров по гриппу ВОЗ в РФ, сезон 2025/26гг.

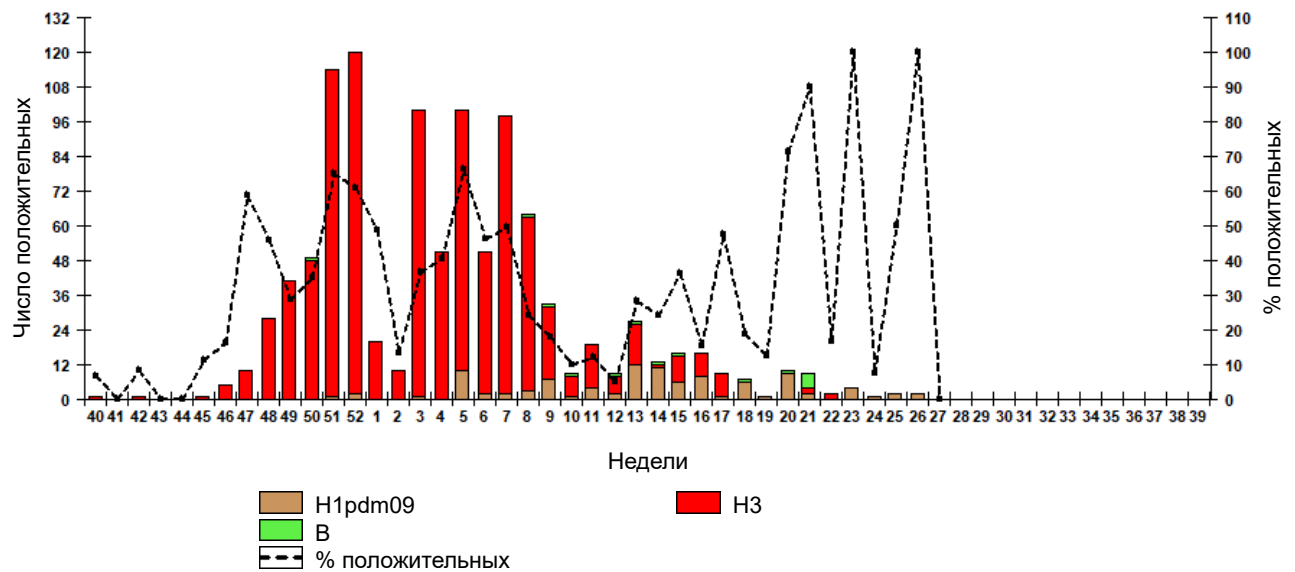


Таблица 1. Результаты ПЦР диагностики в базовых лабораториях двух НЦГ ВОЗ в РФ за 36 неделю 2026г.

	Число образцов / число положительных	% положит.
Грипп		
Число образцов тестированных на грипп	4855	-
Грипп А (не субт.)	0	0,0%
Грипп А(Н1)рdm09	1	0,02%
Грипп А(Н3)	0	0,0%
Грипп В	0	0,0%
Весь грипп	1	0,02%
Другие ОРВИ		
Число образцов тестированных на другие ОРВИ	4827	-
Парагрипп	100	2,1%
Аденовирус	122	2,5%
РС-вирус	16	0,3%
Риновирус	415	8,6%
Коронавирус	35	0,7%
Метапневмовирус	6	0,1%
Бокавирус	71	1,5%
Все ОРВИ	765	15,8%
SARS-CoV-2 (COVID-19)		
Число образцов тестированных на SARS-CoV-2	6514	-
SARS-CoV-2	35	0,5%

Рис. 8. Результаты ПЦР-детекции SARS-CoV-2 в базовых лабораториях двух НЦГ ВОЗ в РФ



COVID-19. Согласно поступившей информации в базу данных НИИ гриппа на 36 неделе, в системе надзора за гриппом и ОРВИ, по результатам ПЦР анализа клинических материалов от 6514 больных в 39 городах, коронавирус SARS-CoV-2 был выявлен в 35 (0,5%) случаях.

Таблица 2. Результаты выделения вирусов гриппа в базовых лабораториях двух НЦГ ВОЗ в РФ за 36 неделю 2026г.

	Число образцов / число вирусов	% выделен. вирусов
Число образцов	0	-
Грипп A(H1)pdm09	0	%
Грипп A(H3)	0	%
Грипп B	0	%
Весь грипп	0	%

Сигнальный надзор

В системе Сигнального надзора на прошедшей неделе на грипп обследовано 26 больных ТОРИ в 2 городах (Калининград, Чита), случаев гриппа не выявлено.

На новую коронавирусную инфекцию обследовано 25 больных ТОРИ в Чите, случаев коронавирусной инфекции, вызванной вирусом SARS-CoV-2, не выявлено.

На вирусы ОРВИ обследовано 25 больных ТОРИ, случаев ОРВИ не зарегистрировано.

При обследовании 8 амбулаторных больных ГПЗ/ОРИ, случаев гриппа не выявлено. На вирусы ОРВИ обследовано 13 больных ГПЗ/ОРИ, случаев ОРВИ не выявлено. На новую коронавирусную инфекцию обследовано 13 больных ГПЗ/ОРИ, случаев коронавирусной инфекции, вызванной вирусом SARS-CoV-2, не выявлено.

Рис. 9. Результаты мониторинга гриппа при ТОРИ в городах – базах Сигнального надзора, сезон 2025/26гг.

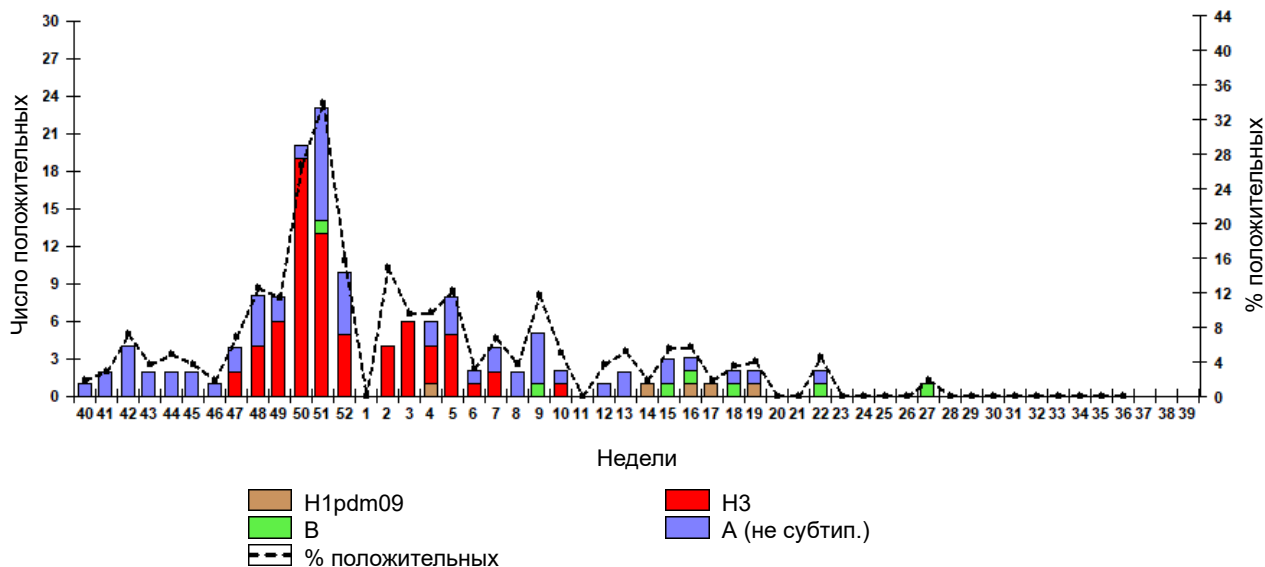


Рис. 10. Результаты мониторинга гриппа при ГПЗ/ОРИ в городах – базах Сигнального надзора, сезон 2025/26гг.

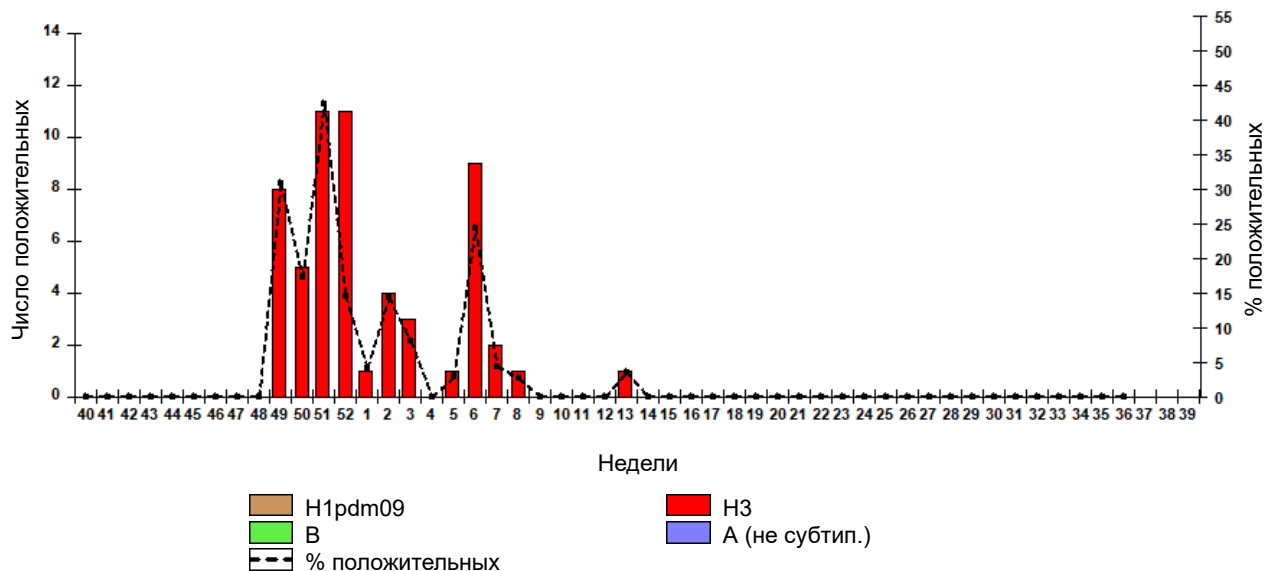


Рис. 11. Результаты мониторинга ОРВИ при ТОРИ в городах – базах Сигнального надзора, сезон 2025/26гг.

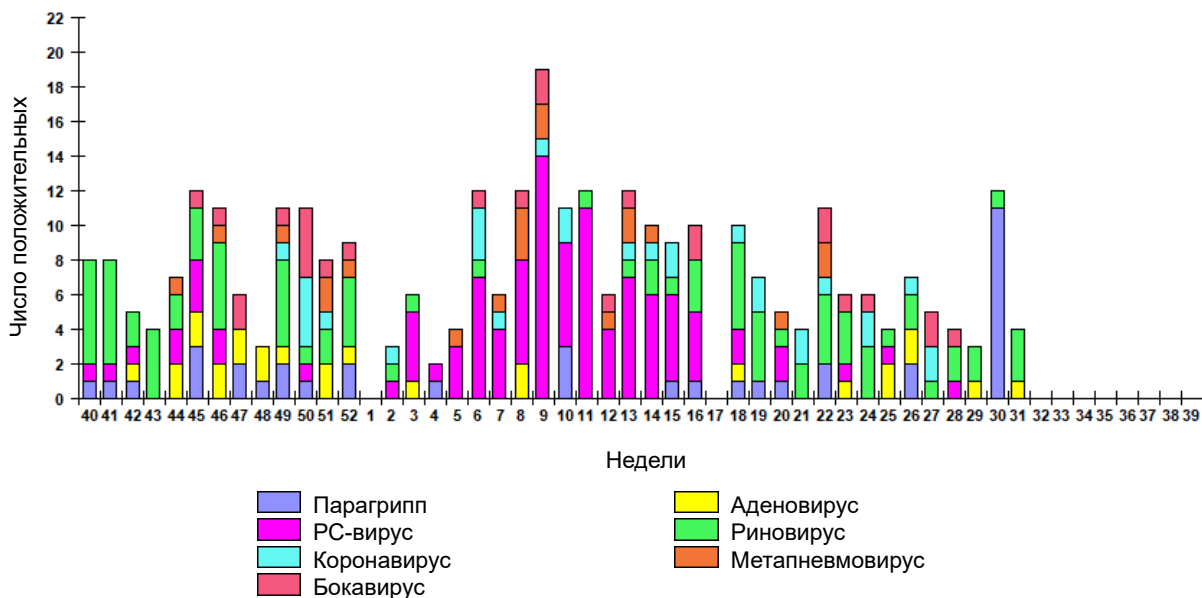
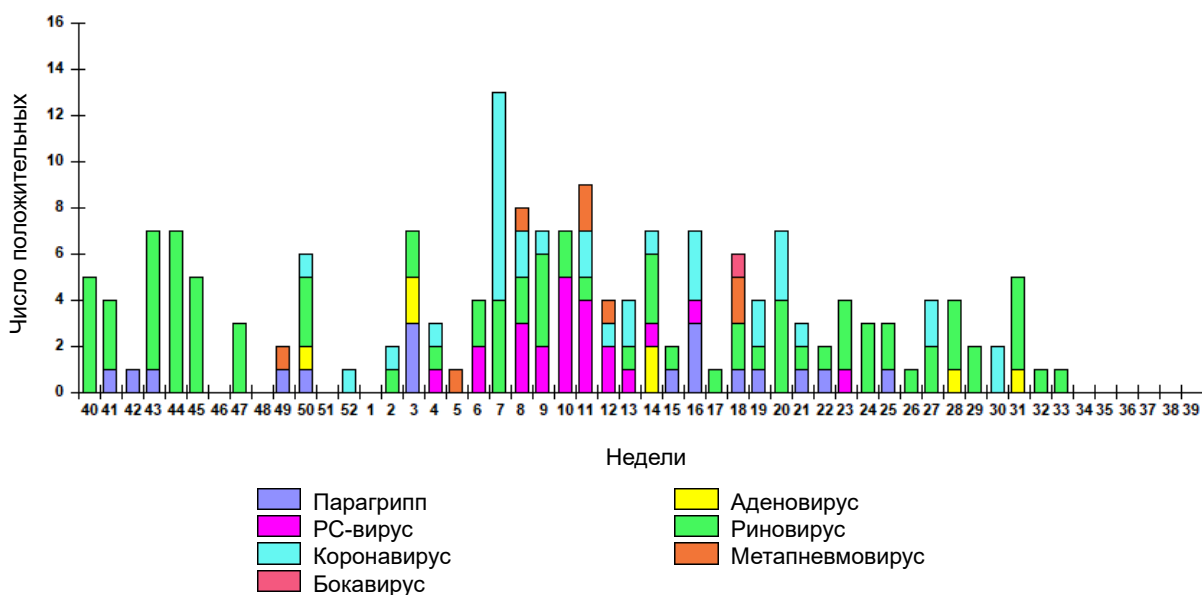


Рис. 12. Результаты мониторинга ОРВИ при ГПЗ/ОРИ в городах – базах Сигнального надзора, сезон 2025/26гг.



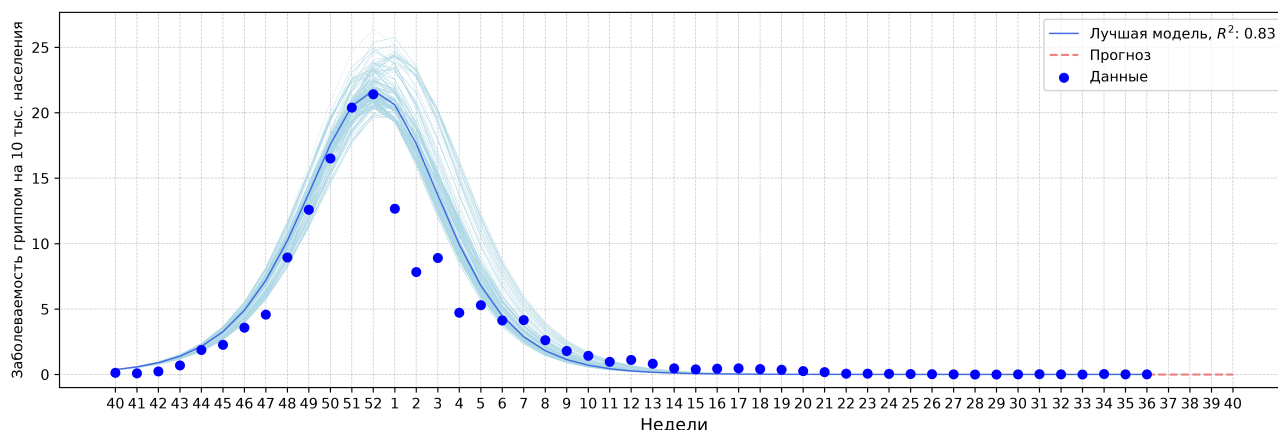
Примечание:

Сводка по ситуации в России составлена на основе данных 51 опорной базы ФГБУ «НИИ гриппа им. А.А. Смородинцева» Минздрава России и 10 опорных баз ФГБУ «НИЦЭМ им.Н.Ф.Гамалеи» Минздрава России

Прогнозирование заболеваемости гриппом

Проведен прогноз заболеваемости гриппом. Прогноз основан на модели Барояна-Рвачева: калибровка модели производилась по данным о зарегистрированных случаях заболеваний гриппом и ОРВИ и данных лабораторной диагностики гриппа (ПЦР) с начала эпидсезона (40 неделя) по предшествующую неделю, на которой публикуется прогноз. Данные представлены с шагом в одну календарную неделю. Поиск оптимальных параметров происходил при помощи калибровочных алгоритмов, в результате проводилось построение модельной кривой. Найденные параметры позволяют продолжить модельную кривую и сгенерировать прогноз на ближайшие 4 недели от даты наблюдения (неделя, за которую публикуется бюллетень).

Рис. 13. Результаты моделирования заболеваемости гриппом с начала сезона по 36 неделю 2026г.



На 36 неделе 2026 года отмечено отсутствие роста заболеваемости, обусловленной лабораторно подтвержденным гриппом. На предстоящих неделях ожидается благополучная ситуация по гриппу.

Ситуация в зарубежных странах

Информация по гриппу была опубликована на сайте WHO (Update от 02.09.2026 № 593), за период 24.08-30.08.2026 на сайте FluNet, за период 24.08-30.08.2026 на сайте Европы (ERVISS), за период 23.08-29.06.2026 на сайте США (FluView) и на сайте Канады (FluWatch).

По данным ВОЗ от 23.08.2026 с 31.12.2019 г. в мире ВОЗ официально подтверждено 779 339 266 случаев новой коронавирусной инфекции (COVID-19) у людей, в том числе 7 116 408 (0,9% от числа заболевших) случаев со смертельным исходом.

Северное полушарие.

Европа. По данным ERVISS за период с 24 по 30 августа 2026 года уровень активности вирусов гриппа повысился и в 1 из 21 страны превысил базовую линию. Из 11 стран ни в одной не зарегистрирована эпидемия гриппа.

В целом, в системе Сигнального надзора за 35 неделю 2026 года выявлено 28 случаев гриппа, из них в 96% случаев выявлен грипп А. Субтипировано 20 вирусов, в 5% случаев диагностирован грипп A(H1N1)pdm09 и в 95% случаев диагностирован грипп A(H3N2).

У больных ТОРИ выявлено 12 случаев гриппа из них 9 случаев выявлен грипп А. Субтипировано 2 вируса, оба случая диагностированы как грипп A(H3N2).

С начала сезона 2025-2026 гг. генетически охарактеризовано 13163 вируса гриппа, из них 3876 штаммов A(H1N1)pdm09, 9145 штаммов A(H3N2) и 142 вируса гриппа В.

Из 3876 вирусов гриппа A(H1N1)pdm09 1 вирус принадлежал клайду 5a.2a(C.1.9) и был подобен референс-штамму A/Lisboa/188/2023, 13 вирусов принадлежали клайду 5a.2a(C.1.9.3) и были подобны референс-штамму A/Hungary/286/2024(H1N1)pdm09, 225 вирусов принадлежали клайду 5a.2a.1(D) и были подобны референс-штамму A/Victoria/4897/2022(H1N1)pdm09 и 3627 вирусов принадлежали клайду 5a.2a.1(D.3.1) и были подобны референс-штамму A/Missouri/11/2025(H1N1)pdm09.

Из 9145 вирусов гриппа A(H3N2) 198 штаммов принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1(J) и были подобны вакцинному вирусу A/Thailand/8/2022, 2129 - принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1(J.2), из них 2007 штаммов были подобны вакцинному вирусу A/Croatia/10136RV/2023, 122 штамма - референс-вирусу A/Netherlands/10685/2024, 35 штаммов принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1(J.2.2) и были подобны референс-вирусу A/Lisboa/216/2023, 259 штаммов принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1(J.2.4) и были подобны референс-вирусу A/Singapore/GP20238/2024, 3 штамма - принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1(J.2.5) и были подобны референс-вирусу A/Victoria/211/2025 и 6477 штаммов принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1(K) и были подобны референс-вирусу A/Norway/8765/2025.

Из 142 вирусов гриппа В 6 вирусов принадлежали клайду V1A.3a.2(C) и были подобны референс-штамму B/Austria/1359417/2021, 13 вирусов принадлежали клайду V1A.3a.2(C.3.1) и были подобны референс-штамму B/Kanagawa/AC2414/2025, 2 вируса принадлежали клайду V1A.3a.2(C.5) и были подобны референс-штамму B/Stockholm/3/2022, 29 вирусов принадлежали клайду V1A.3a.2(C.5.1) и были подобны референс-штамму B/Catalonia/2279261NS/2023, 56 вирусов принадлежали

клайду V1A.3a.2(C.5.6) и были подобны референс-штамму B/Switzerland/329/2024, 21 вирус принадлежал клайду V1A.3a.2(C.5.6.1) и был подобен референс-штамму B/ENG/120/2025, 13 вирусов принадлежали клайду V1A.3a.2(C.5.7) и были подобны референс-штамму B/Greece/5509/2024.

США. По данным CDC в период с 23 по 29 августа 2026 года активность вирусов гриппа была низкой. Лабораторными методами выявлено 17 (0,7%) случаев гриппа, в том числе 7 случаев гриппа A(H1N1)pdm09, 4 - A(H3N2), 4 - несубтипированного гриппа А и 2 случая гриппа В.

Зарегистрирован 1 новый случай смерти ребёнка от гриппа. Всего с начала сезона 2024-2025 зарегистрировано 192 случая смерти детей от гриппа.

С 28.09.2025 CDC генетически охарактеризовано 4620 вирусов гриппа, в том числе 945 штаммов A(H1N1)pdm09, 2513 штаммов A(H3N2) и 1162 штамма гриппа В Викторианской линии. Из 945 штаммов A(H1N1)pdm09 3 вируса принадлежали клайду 6B.1A.5a.2a и 942 - клайду 6B.1A.5a.2a.1. Из 2513 штаммов A(H3N2) все вирусы принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1. Из 1162 штаммов гриппа В все вирусы принадлежали клайду V1A.3a.2.

Канада. По данным FluWatch в период с 23 по 29 августа 2026 года активность вирусов гриппа была низко. 15 регионов и 6 провинций Канады сообщили о спорадической активности гриппа, 1 регион и 1 провинция - о локальной активности. Лабораторными методами выявлено 165 случаев гриппа, из них в 152 случаях - грипп А и в 13 случаях - грипп В.

С 01.09.2025 г. Национальной микробиологической лабораторией Канады антигенно охарактеризовано 2575 вирусов гриппа, в том числе 413 штаммов A(H1N1)pdm09, 1254 штамма A(H3N2) и 908 штаммов гриппа В.

Из 413 штаммов A(H1N1)pdm09 410 были подобны вакцинному штамму A/Wisconsin/67/2022 A(H1N1)pdm09, при использовании антисывороток, полученных к вирусу A/Wisconsin/67/2022 A(H1N1)pdm09, 3 вируса показали сниженный титр с антисыворотками, полученными против A/Wisconsin/67/2022 A(H1N1)pdm09-подобного вируса.

Из 1254 штаммов A(H3N2) 59 были сходны с вакцинным штаммом A/District of Columbia/27/2023 (H3N2), при использовании антисывороток, полученных к вирусу A/District of Columbia/27/2023 (H3N2), 1195 вирусов показали сниженный титр с антисыворотками, полученными против A/District of Columbia/27/2023 (H3N2)-подобного вируса.

Из 908 вирусов гриппа типа В 787 были сходны с вакцинным штаммом B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage), при использовании антисывороток, полученных к вирусу B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage), 121 вирус показал сниженный титр с антисыворотками, полученными против B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage)-подобного вируса.

С 01.09.2025 Национальной микробиологической лабораторией Канады генетически охарактеризовано 2329 вирусов гриппа, в том числе 380 штаммов A(H1N1)pdm09, 1351 штамм A(H3N2) и 598 штаммов гриппа В Викторианской линии.

Из 376 штаммов A(H1N1)pdm09 5 штаммов принадлежали клайду 6B.1A.5a.2a и 371 - клайду 6B.1A.5a.2a.1.

Все 1351 штамм A(H3N2) принадлежали клайду 3C.2a1b.2a.2a.3a.1.

Все 598 штаммов гриппа В принадлежали клайду V1A.3a.2.

Азия. В Китае (Гонконг) и Сингапуре зарегистрированы локальные вспышки гриппа A(H1N1)pdm09, A(H3N2) и В. В Японии зарегистрированы региональные вспышки гриппа A(H1N1)pdm09.